

Poznań, dnia 16.04.2021 r.

Zawiadomienie

Dotyczy: postępowanie PN 519/2021 najem sekwenatora

Zamawiający informuje, iż Wykonawcy zadali następujące pytania:

Pytanie nr 1: dotyczy Formularz oferty Zał. nr 1 do SWZ pkt 11

Sekwenatory NGS są urządzeniami o znacznym stopniu złożoności konstrukcji. Czas przewidziany przez Zamawiającego na skuteczne usunięcie usterek i wad jest zbyt krótki, ponieważ częstokroć naprawa urządzenia wymaga zastosowania długotrwałych procedur kalibracyjnych a jej poprawność musi zostać potwierdzona przeprowadzeniem odpowiedniej reakcji testowej trwającej nawet kilka dni. Czy w związku z powyższym Zamawiający wyrazi zgodę na wydłużenie czasu naprawy liczonego od przybycia serwisu po zgłoszeniu awarii do momentu dokonania naprawy do 14 dni oraz do 21 dni w przypadku konieczności sprowadzenia części od producenta?

Odpowiedź nr 1

Tak.

Zamawiający wyraża zgodę na wydłużenie czasu naprawy liczonego od przybycia serwisu po zgłoszeniu awarii do momentu dokonania naprawy do 21 dni w przypadku konieczności sprowadzenia części od producenta.

Pytanie nr 2: dotyczy Szczegółowy opis przedmiotu zamówienia Zał. nr 2 do SWZ pkt 11

Czy Zamawiający zaakceptuje zaoferowanie urządzenia, spełniającego poniższe parametry techniczne:

- maksymalna wydajność urządzenia (liczba par zasad DNA odczytywana w jednym cyklu pracy urządzenia)
do 120 Gb
- maksymalna liczba odczytów generowana w jednym cyklu pracy urządzenia:
 - do 400 mln w trybie pojedynczych odczytów

- do 800 mln w trybie sparowanych odczytów

- możliwość pracy systemu w dwóch trybach przepustowości:

- maksymalna - do 120 Gb (równowartość 800 mln odczytów w trybie PE)
- średnia - do 39 Gb (równowartość 260 mln odczytów w trybie PE)

- zastosowania - co najmniej takie jak:

- profilowanie ekspresji genów – w zakresie od 13 do maksimum 40 próbek na jeden cykl pracy urządzenia, z możliwością uzyskania nie mniej niż 10 mln pojedynczych odczytów /próbkę
- sekwencjonowanie mRNA – w zakresie od 5 do maksimum 16 próbek na jeden cykl pracy urządzenia, z możliwością uzyskania 50 mln odczytów PE /próbkę
- sekwencjonowanie eksomu (wielkości eksomu człowieka, ang. whole exome sequencing, WES) – w zakresie od 3 do maksimum 12 próbek na jeden cykl pracy urządzenia, przy średnim pokryciu eksomu 50x
- sekwencjonowanie ludzkiego genomu (ang. whole genome sequencing, WGS) – co najwyżej 1 próbka na jeden cykl pracy urządzenia, przy pokryciu genomu nie mniejszym niż 30x
- sekwencjonowanie małych genomów (ok. 130 Mb) – w zakresie 10 do maksymalnie 30 próbek na jeden cykl pracy urządzenia, przy pokryciu genomu nie mniejszym niż 30x

Odpowiedź nr 2

Tak.

Zamawiający zaakceptuje urządzenie o parametrach technicznych zaproponowanych przez Wykonawcę.

W związku z powyższym Zamawiający wprowadza następujące zmiany w załączniku nr 1 do SWZ - Formularz ofertowy pkt 11.

BYŁO

„Oświadczam(y), że czas naprawy liczony od przybycia serwisu po zgłoszeniu awarii liczony do momentu dokonania naprawy wynosidni (maksymalnie 14 dni).

Przez czas naprawy Zamawiający rozumie czas liczony od przybycia serwisu po zgłoszeniu awarii do momentu dokonania naprawy.”

JEST

„Oświadczam(y), że czas naprawy liczony od przybycia serwisu po zgłoszeniu awarii liczony do momentu dokonania naprawy wynosidni (maksymalnie 14 dni), a w przypadku konieczności zamówienia części od producenta wynosi.....dni (maksymalnie 21).

Przez czas naprawy Zamawiający rozumie czas liczony od przybycia serwisu po zgłoszeniu awarii do momentu dokonania naprawy.”

ZASTĘPCA DYREKTORA
ds. Ogólno-Administracyjnych


mgr Małgorzata Radwańska-Borucka